Comment partir une plaque sur le Viia7

- 1. Centrifuger votre plaque 384-puits transparente et mettre un sellant.
- 2. Sur l'écran tactile de la machine Viia7, peser sur le symbole « Power » en bas à gauche puis sur le symbole « Eject » en bas à droite.
- 3. Mettre la plaque avec le puit A1 en haut à gauche. Repeser sur « Eject ».
- 4. Sur le menu principal du logiciel Viia7, cliquer sur Experiment Setup.



- 5. Remplir la page d'information :
 - Le nom et la date de votre projet
 - 384-well Block
 - Standard Curve ou Comparative CT ($\Delta\Delta$ Ct)
 - Taqman ou SYBR
 - Fast (si vous utilisez le qPCR de la plateforme)

👔 ViiA* 7 Software v1	.2.2								
File Edit Instrument	Analysis Tools Help								
New Experiment •	😂 gpen 🛃 Save • 📸 glose 🔤 Import • 🚕 Create Side	A Print Report							
toportunal Plane 🛔	Experiment: 2014-03-19 134337	Type: Comparative Cr (ΔΔCr)	Reagents: TaqMan®	Reagents 🕐					
1000	How do you want to identify this experiment?								
Setup	* Experiment Name: 2014-03-19 1343 7	Comment	E	*					
Experiment Properties	Bercode: User Name:			~					
Define	Which block are you using to run the experiment?								
Assign	✓ 384-Well Block	Array Card Block	96-Well Block (0.2ml.)	Fast 96-Well Block (0.1mL)					
Run Method	* What type of experiment do you want to set up?								
Materials List	Standard Curve	Relative Standard Curve	Comparative Cr (ΔΔCr)	Melt Curve					
<u> </u>	Genotyping	Presence/Absence							
Run	*Which reagents do you want to use to detect the target s	sequence?							
	✓ TagMan® Reagents	SYBR® Green Reagents	Other						
Analysis	*What properties do you want for the instrument run?								
Export	Standard	Fast							

- 6. Dans le menu de gauche, cliquer sur Define.
- 7. Inscrire le nom de vos gènes. Cliquer sur « New » pour en rajouter.
- 8. Inscrire le nom de vos échantillons. Cliquer sur « New » pour en rajouter.

TiiA * 7 Software v1	.2.2					- C 🛛				
File Edit Instrument Analysis Tools Help										
New Experiment -	📄 New Experiment + 🧉 goes 🙀 Save + 🧉 goes i 🖏 Import + 🏨 Ceate Side 🔒 Print Report									
	Experiment: 2014-03-19 134337 Type: Comparative Cr (ΔΔCr)			e Cτ (ΔΔCτ)	Reagents: TagMan@ Reagents					
	Targets				Samples					
Setup	New Save to Library Import from Library Delete				New Save to Library Import from Library Delete					
	Target Name	Reporter	Quencher	Color	Sample Name	Color				
Properties	Target 1	FAM	NFQ-MGB	-	Sample 1	– •				
Define	Target 2	FAM 🗸	NFQ-MGB	-	Sample 2	–				
Assign	Target 3	FAM 🗸	NFQ-MGB	-	Sample 3	–				
	Target 4	FAM	NFQ-MGB		Sample 4	-				
Run Method	Target 5	FAM 🗸	NFQ-MGB	-	Sample 5	-				
Materials List	Target 6	FAM 🗸	NFQ-MGB ~	-	Sample 6	– •				

9. Dans le menu de gauche, cliquer sur Assign.

10. Assigner chaque échantillon et chaque gène en sélectionnant leurs puits correspondant.

ViiA= 7 Software v1	2.2															
File Edit Instrument	Analysis Tools Help				_											
New Experiment •	📓 gpen 📓 Save • 📫 gose 🖓 Import • 🤬	Creat	ate S	ade 🗎	Print R	eport										
C	Experiment: 2014-03-19 134337						Ту	pe: Cor	nparativ	е Ст	(AACT)					
N	Targets		Pl	ate Layout	Wel	Table										
Setup	Target 1	í	U	See n W	eh.▼ 3	elect Wells	• 💷 •	New Legend								
Experiment	Target 2	10		-1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	1
Define	Target 4		A 🖥	arrole 1 S	angle 2	Sample 3	Sancia 4	Sample	S Sancie 6		X	X	X			
Assign	Target 6			arrole 1 S	angle 2	Sample 3	Sample 4	Sample 1	5 Sample 6							
Run Method	,		c	arrele 1 S	ample 2	Samelo 3	Sample 4	Sancia	S Sample 6	87						
Materials List			0	ande 1 S	arrele 2	Sample 3	Sample 4	Sample	5 Sample 6							1
	Samples	2	E	arrigio 1 S	anole 2	Sample 3	Sample 4	Sample	S Sample 6						100	
	Lame		, 5	andle 1 S	arrele 2	Samela 3	Sample 4	Sample	5 Sample 6							
	Sample 2 Sample 3		6	arrele 1 5	ancla 2	Sancle 3	Sample 4	Sample	S Sample 6							
Analysis -	Sample 4	1	н	andle 1 S	ande 2	Sample 3	Sample 4	Sample	5 Sandle 6							
	Sample 6	1	1	angle 1 S	mele 2	Sample 3	Sample -	Sample	S Sample 6							
Export			,	unde 1 5	annale 2	Sample 3	Sample 4	Sancie	5 Sanzle 6	-						
		I,		ample 1 5	ample 2	Sample 3	Sample 4	Sample	S Sample 6							
	Biological Groups			angle 1 S	angle 2	Sample 3	Sample 4	Sample	5 Sample 6							
	Bological Group		1	Ti Tara i	Tara_	III Terr.	III Tave.	III Tara	Til Tara							

- 11. Dans le menu de gauche, cliquer sur **Run Method**
- <u>Ne pas modifier le programme</u>, à moins que vous utilisiez un autre protocole.
- 12. Sauvegarder le fichier sur le disque dur. Créer un dossier à votre nom sous :
- D:\Applied Biosystems\Viia7 Software v1.2\experiments
- 13. Dans le menu de gauche, cliquer sur **Run**, puis sur le bouton vert **Start Run**.

📲 ViiA* 7 Software v1	1.2.2	
File Edit Instrument	Analysis Tools Help	
New Experiment +	🤷 goen 📓 Save 🕶 🖆 glose 🔤 Import 🕶 🛷 Create Silde 📇 Print Report	
Experiment Menu	Experiment: 2014-03-19 134337	ту
	Run Status	
Setup	START RUN 🔻	
5	278881951 Not Started	
Run	Amplification Plot	
Amplification Plot		
Temperature Plot	Amplification Plot	
Run Method		
Notification Settings		
View Run Data		

14. Vous pouvez transférer votre fichier du dossier D:\ à votre dossier sur le P:\